

南京农业大学2024年专业技术职务申报人员情况简表

申报职务	教授	申报类型	教学科研型			申报学科	生物信息学			是否破格	否			
姓名	刘金定	所在单位	前沿交叉研究院			性别	男			出生年月	1978-12			
现职务及任职时间	2013-12 副教授	最高学历学位及取得时间	2014-11 博士研究生毕业 2014-12 博士学位			毕业学校	南京农业大学			现从事研究方向	生物大数据整合与挖掘			
任现职以来发表的论文、论著题目（最具代表性8篇）					期刊名称/出版单位			作者情况	年份	论文/论著相关情况		同行专家 鉴定意见		
PlantExp: a platform for exploration of gene expression and alternative splicing based on public plant RNA-seq samples					NUCLEIC ACIDS RESEARCH			1/10第一作者	2022	A(自然科学)/16.4				
MetazExp: a database for gene expression and alternative splicing profiles and their analyses based on 53 615 public RNA-seq samples in 72 metazoan species					NUCLEIC ACIDS RESEARCH			1/8第一及通讯作者	2021	A(自然科学)/17.21				
Online data resource for exploring transposon insertion polymorphisms in public soybean germplasm accessions					PLANT PHYSIOLOGY			4/6通讯作者	2023	A(自然科学)/8.7				
FungiExp: a user-friendly database and analysis platform for exploring fungal gene expression and alternative splicing					BIOINFORMATICS			1/6第一作者	2023	A(自然科学)/8.3				
Cross-kingdom analyses of transmembrane protein kinases show their functional diversity and distinct origins in protists					COMPUTATIONAL AND STRUCTURAL BIOTECHNOLOGY JOURNAL			5/6通讯作者	2023	A(自然科学)/6.3				
FishExp: A comprehensive database and analysis platform for gene expression and alternative splicing of fish species					COMPUTATIONAL AND STRUCTURAL BIOTECHNOLOGY JOURNAL			4/4通讯作者	2022	A(自然科学)/6.3				
A web-based database server using 43,710 public RNA-seq samples for the analysis of gene expression and alternative splicing in livestock animals					BMC GENOMICS			1/7第一及通讯作者	2022	A(自然科学)/4.7				
FairBase: a comprehensive database of fungal A-to-I RNA editing					DATABASE-THE JOURNAL OF BIOLOGICAL DATABASES AND CURATION			1/8第一作者	2019	A(自然科学)/3.661				
科研项目、教学教改项目名称（最具代表性的6项）					项目来源及类别			项目批准号	到账/批复经费(万元)	立项时间	项目角色	完成情况		
可变剪接介导的大豆疫霉和寄生疫霉效应子CRN156功能分化与寄主适应性机制					国家自然科学基金委员会 面上项目 国家级			32270208	54	2022	负责人	在研		
基于基因组水平的细胞色素P450基因农药响应元件的预测和验证					国家自科基金 青年科学基金项目 国家级			31301691	23	2013	负责人	结题		
piggyBac转座子的交互作用研究					国家自科基金 青年科学基金项目 国家级			31301729	23	2013	参与人	结题		
靶标抗性相关的RNA编辑事件预测和验证					校级项目 其他中央高校基本科研业务费 校级			Y0201600174	10	2016	负责人	结题		
生物信息学校内前沿交叉研究					校级项目 创新交叉 校级			KYCXJC2022003	40	2022	任务负责人	结题		
基于单细胞组学及人工智能技术的生物信息分析体系建设					校级项目 创新交叉 校级			KYCXJC2023001	35	2023		在研		
其他科研成果（限3项）名称		类型	机构/编号	时间	排名	科研成果获奖（限3项）名称		奖励名称-奖励级别-授奖等级				时间	排名	
真核基因组分析系统软件		计算机软件著作权	2017SR502911	2017-09	1/1									
讲授课程(任现职近5年 限2门)名称		课程性质	授课对象	授课人数	授课学时	荣誉表彰奖励（限3项）名称		授予部门-获奖级别				时间	排名	
数据结构		专业基础课	本科生	48	38	国外访学考核优秀		南京农业大学 校级				2021-09	/	
JAVA项目实战		专业课	本科生	103	78	教学优秀		南京农业大学 校级				2014	/	
教学成果获奖（限3项）名称		等级及级别		颁奖机构-奖励年度		排名								
							近5年 考核情况	学年度		2023	2022	2021	2020	2019
								年度考核结果		合格	合格	合格	合格	合格
								教学质量评价结果		良好, 94%	良好, 62.75%	默认, 未考核	默认, 未考核	良好, 60%
教材/课程建设（限3项）名称		出版社/课程类型		级别	时间	排名	指导学生情况		在读研究生 4		毕业研究生 3		本科毕业论文学生 28	
							民意测评情况		单位总人数		实到人数		同意人数	
							学校学科评议组票数		总人数		同意人数		反对人数 弃权人数	
							申报人（签名）：		刘金定		人事秘书（签名）：		年 月	